

TABLEAUX CLASSIQUES D'IDENTIFICATION

ORIENTATION BACTÉRIES

	forme de CCQe	Gram +	AéRobie	ANAérobie	Filaments	Acidoalcool R	Glcose	culture sur GO	Oxydase	Catalase	EndoSpores	Capsule	Mobilité
<i>Achromobacter</i>	-	-	+	-	-	-	+	+	+	+	-	-	+
<i>Bordetella</i>	-	-	+	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-
<i>Brucella</i>	-	-	+	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-
<i>Campylobacter</i>	-	-	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	+
<i>Flavobacterium</i>	-	-	+	-	-	-	+	+	+	+	-	-	-
<i>Francisella</i>	-	-	+	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-
<i>Legionella</i>	-	-	+	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-
<i>Pseudomonas et app.</i>	-	-	+	-	-	-	+	+	+	+	-	-	+
<i>Stenotrophomonas maltoph</i>	-	-	+	-	-	-	+	+	-	+	-	-	+
<i>Bacteroides</i>	-	-	-	+	-	-	+	-	-	-	-	-	-
<i>Fusobacterium</i>	-	-	-	+	-	-	V	-	-	-	-	-	-
<i>Porphyromonas</i>	-	-	-	+	-	-	+	-	-	-	-	-	-
<i>Prevotella</i>	-	-	-	+	-	-	+	-	-	-	-	-	-
<i>Eikenella</i>	-	-	+	+	-	-	-	-	+	-	-	-	-
<i>Actinobacillus</i>	-	-	+	+	-	-	+	+	+	+	-	-	-
<i>Chromobacterium</i>	-	-	+	+	-	-	+	+	+	+	-	-	+
<i>Enterobacteriaceae</i>	-	-	+	+	-	-	+	+	-	+	-	-	V
<i>Haemophilus</i>	-	-	+	+	-	-	+	-	-	+	-	-	-
<i>Pasteurella</i>	-	-	+	+	-	-	V	-	+	+	-	-	-
<i>Vibrionaceae</i>	-	-	+	+	-	-	+	+	+	+	-	-	+
<i>Mycobacterium</i>	-	+	+	-	-	+	V	V	-	V	-	-	-
<i>Kurthia</i>	-	+	+	-	-	-	-	+	-	+	-	-	+
<i>Nocardia</i>	-	+	+	-	-	V	+	+	-	+	-	-	-
<i>Actinomyces</i>	-	+	-	+	-	-	+	+	-	-	-	-	-
<i>Bifidobacterium</i>	-	+	-	+	-	-	+	+	-	-	-	-	-
<i>Clostridium</i>	-	+	-	+	-	-	+	+	-	-	+	-	V
<i>Eubacterium</i>	-	+	-	+	-	-	+	-	-	-	-	-	V
<i>Propionibacterium</i>	-	+	-	+	-	-	+	+	-	+	-	-	-
<i>Corynebacterium</i>	-	+	V	+	-	-	+	+	-	+	-	-	-
<i>Brevibacterium</i>	-	+	+	-	V	-	-	+	V	+	-	-	-
<i>Kurthia</i>	-	+	+	-	-	-	-	+	-	+	-	-	+
<i>Brochothrix</i>	-	+	+	+	-	-	+	+	-	+	-	-	-
<i>Lactobacillus</i>	-	+	+	+	-	-	+	-	-	-	-	-	-
<i>Rhodococcus</i>	-	+	+	-	+	-	+	+	-	+	-	-	-
<i>Bacillus</i>	-	+	+	V	-	-	+	+	-	+	+	-	V
<i>Gardnerella</i>	-	V	+	+	-	-	+	-	-	-	-	-	-
<i>Erysipelothrix</i>	-	+	+	+	-	-	+	+	-	-	-	-	-
<i>Listeria</i>	-	+	+	+	-	-	+	+	-	+	-	-	-
<i>Acinetobacter</i>	+	+	+	-	-	-	+	+	-	+	-	-	-
<i>Alcaligenes</i>	+	-	+	-	-	-	-	+	+	+	-	-	+
<i>Kingella</i>	+	-	+	-	-	-	+	-	+	-	-	-	-
<i>Moraxella</i>	+	-	+	-	-	-	-	V	+	+	-	-	-
<i>Neisseria</i>	+	-	+	-	-	-	+	V	+	+	-	-	-
<i>Veillonellaceae</i>	+	+	-	+	-	-	-	-	-	-	-	-	-
<i>Micrococcus</i>	+	+	+	-	-	-	-	+	-	+	-	-	-
<i>Streptomyces</i>	+	+	+	-	+	-	+	+	-	+	-	-	-
<i>Gemella</i>	+	V	+	+	-	-	+	+	-	-	-	-	-
<i>Aerococcus</i>	+	+	+	+	-	-	+	+	-	+	-	-	-
<i>Enterococcus</i>	+	+	+	+	-	-	+	+	-	-	-	-	-
<i>Leuconostoc</i>	+	+	+	+	-	-	+	+	-	-	-	-	-
<i>Pediococcus</i>	+	+	+	+	-	-	+	+	-	-	-	-	-
<i>Streptococcus pneumoniae</i>	+	+	+	+	-	-	+	-	-	-	-	+	-
<i>Streptococcus</i>	+	+	+	+	-	-	+	V	-	-	-	-	-
<i>Staphylococcus</i>	+	+	+	+	-	-	+	+	-	+	-	-	-
<i>Peptostreptococcus</i>	+	+	-	+	-	-	+	-	-	-	-	-	-
<i>Peptococcus</i>	+	+	-	+	-	-	V	-	-	-	-	-	-

Bactéries	forme de COQuie	Gram +	AéRobie	ANAérobie	FLament	Acidoalcool R	Glucose	culture sur GO	Oxydase	CATalase	EndoSpores	Capsule	Mobilité	
<i>Achromobacter</i>	0	0	100	0	0	0	100	100	100	100	0	0	100	
<i>Bordetella</i>	0	0	100	0	0	0	0	0	90	100	0	0	0	
<i>Brucella</i>	0	0	100	0	0	0	1	0	99	100	0	0	0	
<i>Campylobacter</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	100	90	0	0	99	
<i>Flavobacterium</i>	0	0	100	0	0	0	0	100	100	100	0	0	0	
<i>Francisella</i>	0	0	100	0	0	0	1	0	99	100	0	0	0	
<i>Legionella</i>	0	0	100	0	0	0	1	0	99	100	0	0	0	
<i>Pseudomonas et app.</i>	0	0	100	0	0	0	0	90	99	99	100	0	0	90
<i>Xanthomonas</i>	0	0	100	0	0	0	0	100	100	0	100	0	0	99
<i>Bacteroides</i>	0	0	0	100	0	0	90	10	0	0	0	0	0	5
<i>Fusobacterium</i>	0	0	0	100	0	0	50	0	0	0	0	0	0	0
<i>Porphyromonas</i>	0	0	0	100	0	0	90	10	0	0	0	0	0	1
<i>Prevotella</i>	0	0	0	100	0	0	90	10	0	0	0	0	0	1
<i>Eikenella</i>	0	0	99	100	0	0	0	0	100	0	0	0	0	0
<i>Actinobacillus</i>	0	0	100	100	0	0	100	100	100	100	0	0	0	0
<i>Chromobacterium</i>	0	0	100	100	0	0	100	100	100	100	0	0	0	99
<i>Enterobacteriaceae</i>	1	0	100	100	0	0	0	100	99	0	100	0	10	80
<i>Haemophilus</i>	0	0	100	100	0	0	99	0	0	100	0	10	0	0
<i>Pasteurella</i>	0	0	100	100	0	0	80	0	99	100	0	0	0	0
<i>Vibrionaceae</i>	1	0	100	100	0	0	100	99	100	100	0	10	90	0
<i>Mycobacterium</i>	0	99	99	0	0	99	50	40	0	50	0	0	0	0
<i>Kurthia</i>	1	100	100	0	0	0	0	99	0	100	0	0	0	100
<i>Nocardia</i>	0	100	100	0	0	20	100	100	0	100	0	0	0	0
<i>Actinomyces</i>	0	100	0	100	0	0	100	100	0	0	0	0	0	0
<i>Bifidobacterium</i>	0	100	0	100	0	0	100	90	0	0	0	0	0	0
<i>Clostridium</i>	0	100	0	100	0	0	99	90	0	0	99	0	0	70
<i>Eubacterium</i>	0	100	0	100	0	0	100	0	0	0	0	0	0	50
<i>Propionibacterium</i>	0	100	1	100	0	0	100	100	0	100	0	0	0	0
<i>Corynebacterium</i>	0	100	50	100	0	0	99	100	0	100	0	0	0	0
<i>Brevibacterium</i>	1	100	100	0	70	0	0	95	20	100	0	0	0	0
<i>Kurthia</i>	1	100	100	0	0	0	0	99	0	100	0	0	0	99
<i>Brochothrix</i>	1	100	100	100	0	0	99	95	0	100	0	0	0	0
<i>Lactobacillus</i>	0	100	90	100	0	0	100	0	0	0	0	0	0	0
<i>Rhodococcus</i>	0	100	100	0	99	0	100	100	0	100	0	0	0	0
<i>Bacillus</i>	0	100	100	50	0	0	90	100	0	100	99	2	50	0
<i>Gardnerella</i>	0	50	100	100	0	0	100	0	0	0	0	0	0	0
<i>Erysipothrix</i>	0	100	100	100	0	0	99	100	0	0	0	0	0	0
<i>Listeria</i>	0	100	100	100	0	0	99	100	0	100	0	0	0	0
<i>Acinetobacter</i>	99	0	100	0	0	0	90	99	0	100	0	0	0	0
<i>Alcaligenes</i>	100	0	100	0	0	0	0	100	100	100	0	0	0	100
<i>Kingella</i>	99	0	100	0	0	0	0	100	0	100	0	0	0	0
<i>Moraxella</i>	99	0	100	0	0	0	0	0	50	100	100	0	1	0
<i>Neisseria</i>	100	0	100	0	0	0	95	50	100	100	0	1	0	0
<i>Veillonellaceae</i>	100	0	0	100	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0
<i>Micrococcus</i>	100	100	100	0	0	0	1	100	0	100	0	0	0	0
<i>Streptomyces</i>	100	100	100	0	100	0	90	99	0	100	0	0	0	0
<i>Gemella</i>	99	50	100	100	0	0	100	100	0	0	0	0	0	0
<i>Aerococcus</i>	100	100	100	100	0	0	100	100	0	90	0	0	0	0
<i>Enterococcus</i>	99	100	100	100	0	0	100	99	0	0	0	0	0	0
<i>Leuconostoc</i>	100	100	99	100	0	0	100	100	0	0	0	0	0	0
<i>Pediococcus</i>	100	100	100	100	0	0	100	100	0	0	0	0	0	0
<i>Streptococcus pneumoniae</i>	99	100	100	100	0	0	100	0	0	0	0	0	99	0
<i>Streptococcus</i>	99	100	100	100	0	0	100	80	0	0	0	0	1	0
<i>Staphylococcus</i>	100	100	100	100	0	0	100	99	0	100	0	0	0	0
<i>Peptostreptococcus</i>	100	100	0	100	0	0	90	1	0	0	0	0	0	0
<i>Peptococcus</i>	100	100	0	100	0	0	50	1	0	0	0	0	0	0

PRINCIPALES BACTÉRIES RENCONTRÉES EN MICROBIOLOGIE MÉDICALE (HORS Mycoplasmes, Chlamydiae,...)

	Morphologie	Gram	Kinyoun / Ziehl	Mobilité	Exigence	Type respiratoire	Voie d'attaque du glucose	Oxydase	Catalase	Nitrate réductase
<i>Staphylococcaceae</i>	coques (en amas "grappes de raisin")	+	-	-	-	aéroanaérobie	fermentatif	-	+	±
<i>Micrococcaceae</i>	coques (tétrades...)	+	-	-	-	aérobiose stricte	oxydatif	-	+	±
<i>Streptococcaceae</i>	coques sphériques (chainettes, diplocoques...)	+	-	-	+ en général	aéroanaérobie	fermentatif	-	-	±
<i>Enterococcaceae</i>	coques ovoïdes (chainettes, diplocoques...)	+	-	-	-	aéroanaérobie	fermentatif	-	-	±
<i>Bacillaceae et apparentés</i>	bacilles (plutôt grands)	+	-	(+) péritriche	-	aéroanaérobiose ou aérobiose stricte	fermentatif oxydatif ou inerte	-	+	±
<i>Lactobacillaceae</i>	bacilles (plutôt grands)	+	-	-	+	aéroanaérobie	fermentatif	-	-	-
<i>Corynebacteriaceae et apparentés</i>	bacilles irréguliers (massue, hâleres...) souvent en palissades	+	(-)	-	-	aéroanaérobiose ou aérobiose stricte	fermentatif oxydatif ou inerte	-	+	±
<i>Listeria</i>	bacilles (plutôt petit)	+	-	(+) péritriche	-	aéroanaérobie	fermentatif	-	+	±
<i>Erysipelothrix</i>	bacilles (plutôt petit)	+	-	-	-	aéroanaérobie	fermentatif	-	-	±
<i>Mycobacteriaceae</i>	bacilles	+	+	-	++/-			-	+	±
<i>Enterobacteriaceae</i>	bacilles	-	-	(+/-) péritriche	-	aéroanaérobie	fermentatif	-	+	±
<i>Pseudomonadaceae et apparentés</i>	bacilles	-	-	(+) polaire	-	aérobiose stricte	oxydatif ou inerte	+	+	±
<i>Vibrionaceae</i>	bacilles souvent incurvés	-	-	(+) polaire	-	aéroanaérobie	fermentatif	+	+	±
<i>Aeromonadaceae</i>	bacilles	-	-	(+) polaire	-	aéroanaérobie	fermentatif	+	+	±
<i>Pasteurellaceae</i>	bacilles	-	-	-	+-	aéroanaérobie	fermentatif	+-	+	±
genre <i>Stenotrophomonas</i>	bacilles	-	-	(+) polaire	-	aérobiose stricte	oxydatif	-	+	±
<i>Brucellaceae</i>	coccobacilles	-	-	-	++	aérobiose stricte	fermentatif	+	+	±
genre <i>Bordetella</i>	coccobacilles	-	-	-	+-	aérobiose stricte	fermentatif	+	+	±
<i>Helicobacteriaceae</i>	bacilles en hélice	-	-	(+) polaire	+ en général	microaérophile		+	+	±
<i>Campylobacteriaceae</i>	bacilles en parenthèse	-	-	(+) polaire	+ en général	microaérophile		+	+	±
<i>Neisseria/Moraxella</i>	coques parfois coccobacilles	-	-	-	+	aérobiose stricte	oxydatif ou inerte	+	+	±
<i>Acinetobacter</i>	diplocoques ou diplococobacilles	-	-	-	-	aérobiose stricte	oxydatif	-	+	-/+
<i>Clostridium</i>	bacilles (plutôt grands)	+	-	(+) péritriche	++	anaérobiose stricte	fermentatif	-	-	±
etc										

Bacilles GRAM – AÉROBIES

Entérobactéries

Orientation

ONPG	H ₂ S	Uréase	Indole	
+	+	+	+	Citrobacter (souches exceptionnelles) PEU PROBABLE
+	+	+	-	Citrobacter (souches exceptionnelles) PEU PROBABLE
+	+	-	+	Citrobacter (souches exceptionnelles)
+	+	-	-	lactose + en général : <i>Citrobacter freundii</i> lactose - : <i>Salmonella arizonaee</i>
+	-	+	+	lactose + en général : <i>Klebsiella oxytoca</i> lactose - : <i>Yersinia spp</i>
+	-	+	-	lactose + : <i>Klebsiella pneumoniae</i> lactose - : gélatinase + : <i>Serratia</i> gélatinase - : <i>Yersinia spp</i>
+	-	-	+	lactose + : <i>Escherichia coli</i> , <i>Klebsiella oxytoca</i> lactose - : gélatinase +, LDC + : <i>Serratia odorifera</i> , <i>Vibrio</i> gélatinase +, LDC - : <i>Aeromonas</i> gélatinase -, LDC - : <i>Shigella</i> , <i>Yersinia</i>
+	-	-	-	lactose + : <i>Enterobacter</i> lactose - : <i>Serratia</i> , <i>Hafnia</i> , <i>Shigella</i>
-	+	+	+	<i>Proteus vulgaris</i>
-	+	+	-	<i>Proteus mirabilis</i>
-	+	-	+	lactose - : <i>Edwarsiella</i>
-	+	-	-	lactose + : <i>Citrobacter</i> lactose - : <i>Salmonella spp</i>
-	-	+	+	TDA + : <i>Morganella</i> , <i>Providencia</i> TDA - : <i>Yersinia</i>
-	-	+	-	TDA + : <i>Proteus penneri</i> , <i>Providencia</i> , <i>Morganella</i> TDA - : <i>Yersinia</i>
-	-	-	+	TDA + : <i>Providencia</i> TDA - : gélatinase + : <i>Serratia</i> gélatinase - : <i>Escherichia coli</i> , <i>Shigella</i> , <i>Edwarsiella</i>
-	-	-	-	de très nombreux taxons sont possibles...

CLASSIQUE EN +V

	Mobilité	LACtose	ONPG	ADH	LDC	ODC	CITrate (Simmons)	H2S	URÉE (uréase)	PDA ou TDA	INDole	VP	GÉLatinase	MANnitol	SACcharose	RM	DNAse
<i>Escherichia coli</i>	+	+	+	(-)	(+)	V	-	-	-	-	+	-	-	+	V	+	-
<i>Shigella sauf sonnei</i>	-	-	-	(-)	-	-	-	-	-	-	V	-	-	(+)	-	+	-
<i>Shigella sonnei</i>	-	-	(+)	-	-	+	-	-	-	-	-	-	-	+	-	+	-
<i>Salmonella (majorité)</i>	+	-	-	(+)	+	+	+	+	-	-	-	-	-	+	-	+	-
<i>Salmonella typhi</i>	+	-	-	-	+	-	-	+	-	-	-	-	-	+	-	+	-
<i>Salmonella paratyphi A</i>	+	-	-	(-)	-	+	-	(-)	-	-	-	-	-	+	-	+	-
<i>Citrobacter freundii</i>	+	V	+	V	-	(-)	+	(+)	-	-	(-)	-	-	+	V	+	-
<i>Citrobacter diversus</i>	+	V	+	V	-	+	+	-	-	-	+	-	-	+	V	+	-
<i>Klebsiella pneumoniae</i>	-	+	+	-	+	-	+	-	+	-	-	-	+	-	+	+	(-)
<i>Klebsiella oxytoca</i>	-	+	+	-	+	-	+	-	(+)	-	+	+	-	+	+	+	(-)
<i>Enterobacter aerogenes</i>	+	+	+	-	+	+	+	-	-	-	-	-	+	-	+	+	(-)
<i>Enterobacter cloacae</i>	+	(+)	+	+	-	+	+	-	V	-	-	+	-	+	+	+	(-)
<i>Hafnia alvei</i>	(+)	(-)	(+)	(-)	+	+	(-)	-	-	-	(+)	-	+	(-)	V	-	
<i>Serratia marcescens</i>	+	-	+	-	+	+	+	-	(-)	-	-	+	(+)	+	+	(-)	+
<i>Proteus mirabilis</i>	+	-	-	-	-	+	V	+	+	+	-	V	(+)	-	(-)	+	V
<i>Proteus vulgaris</i>	+	-	-	-	-	-	(-)	+	+	+	+	-	(+)	-	+	+	(+)
<i>Providencia rettgeri</i>	(+)	(-)	(-)	-	-	-	+	-	+	+	+	-	-	-	+	(-)	(+)
<i>Providencia stuartii</i>	(+)	-	(-)	-	-	-	(+)	-	V	+	+	-	-	-	(-)	V	+
<i>Providencia alcalifaciens</i>	+	-	-	-	-	-	+	-	-	+	+	-	-	-	-	(-)	+
<i>Morganella morganii</i>	+	-	(-)	-	-	+	-	(-)	+	+	+	-	-	-	-	+	-
<i>Yersinia enterocolitica</i>	-	(-)	+	-	-	+	-	-	(+)	-	V	-	-	+	+	+	(-)
<i>Yersinia pestis</i>	-	-	V	-	-	-	-	-	(-)	-	-	-	-	+	-	(+)	-
<i>Yersinia pseudotuberculosis</i>	-	-	(+)	-	-	-	-	-	+	-	-	-	-	+	-	+	-

Diagnostic différentiel des *Enterobacteriaceae* : tableau simplifié

Bacilles Gram négatif, oxydase négative, mobilité positive par ciliature péritricale (ou immobile), aéro-anaérobiose facultative, utilisant la voie fermentative pour dégrader le glucose, non exigeant, nitrate réductase positive (stade nitrites)

	LAC	ONPG	H ₂ S	URE	TDA	IND	VP	GEL	CIT	LDC	ODC	ADH	MAN	MOB	SAC
<i>Salmonella typhi</i>	-	-	-	-	-	-	-	-	-	+	-	-	+	+	-
<i>Salmonella paratyphi A</i>	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	+	-	+	+	-
<i>Salmonella arizona</i>	-	-	+	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	-
<i>Salmonella spp</i>	-	-	+/-	-	-	-	-	-	+/-	+	+	-/+	+	+/-	-
<i>Citrobacter freundii</i>	+	+	+/-	-	-	-	-	-	+/-	-	-	-/+	+	+	+
<i>Citrobacter diversus</i>	-/+	+	-	-	-	+	-	-	+	?	+	?	+	+	+
<i>Escherichia coli</i> 1	+	+	-	-	-	+	-	-	-	+/-	+/-	-	+	+	-/+
<i>Escherichia coli</i> 2	+	-/+	-	-	-	?	-	-	-	?	-/+	-	+	-	-
<i>Escherichia vulneris</i>	+	+	-	-	-	-	-	-	-	?	-	-/+	+	+	-
<i>Enterobacter cloacae</i>	+	+	-	-	-	-	+	-	+	-	+	+	+	+	+
<i>Enterobacter gergoviae</i>	+	+	-	+	-	-	+	-	+/-	-/+	+	-	+	+	+
<i>Enterobacter spp</i>	+	+	-	-	-	-	+	-	+/-	-	+	-/+	+	+	+
<i>Klebsiella pneumoniae</i>	+	+/-	-	-/+	-	-	+/-	-	+/-	-/+	-	-	+	-	+
<i>Klebsiella oxytoca</i>	+	+	-	+	-	+	+	-	+	+	+	-	+	-	+
<i>Klebsiella spp</i>	+	+	-	-	-	-	+/-	-	+/-	+/-	-	-	+	-	+
<i>Hafnia alvei</i> 1	-	+	-	-	-	-	+/-	-	?	+	+	-	+	+	-
<i>Hafnia alvei</i> 2	-	?	-	-	-	-	-/+	-	-	+	+	-	+	-	-
<i>Edwardsiella hoshinae</i>	-	-	+	-	-	+	-	-	?	+	+	-	+	+	+
<i>Edwardsiella tarda</i>	-	-	+/-	-	-	+	-	-	-	+	+	-	-	+	-
<i>Serratia marcescens</i>	-	+	-	-/+	-	-	+/-	+	+	+	+	-	+	+	+
<i>Serratia odorifera</i>	-	+	-	-	-	+	?	+	+	+	+	?	-	+	+
<i>Serratia spp</i>	-	+	-	-	-	-	+/-	+/-	+	?	-	-	+	+	+
<i>Proteus vulgaris</i>	-	-	+	+	+	+	+	-	+	-	-	-	-	-	+
<i>Proteus mirabilis</i>	-	-	+	+	+	-	-	-	+	?	-	?	-	-	-
<i>Proteus penneri</i>	-	-	-/+	+	+	-	-	-	?	-	-	-	-	-	+
<i>Morganella morganii</i>	-	-	-	+	+	+	+	-	-	-	-	+	-	-	-
<i>Providencia rettgeri</i>	-	-	-	+	+	+	+	-	-	+	-	-	-	+	-/+
<i>Providencia stuartii</i>	-	-	-	-/+	+	+	-	-	-	+	-	-	-	-	-
<i>Yersinia enterocolitica</i>	-	+	-	+	-	?	-	-	-	-	+	-	+	-	+
<i>Yersinia pestis</i>	-	+/-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	+	-	-
<i>Yersinia spp</i>	-	?	-	?	-	?	-	-	-	-	?	-	+	-	-/+
<i>Shigella sonnei</i>	-	+	-	-	-	-	-	-	-	-	+	-	+/-	-	-
<i>Shigella spp</i>	-	-	-	-	-	-/+	-	-	-	-	-	-	-	-	-

“spp” : signifie “espèce”, du latin *species pluralis* : plusieurs espèces sont possibles.

+ : signifie que le caractère est positif pour 80% à 100% des souches des espèces

- : signifie que le caractère est positif pour 0% à 20% des souches des espèces (Donc négatif à 80% à 100%)

+/- : signifie que le caractère est plutôt positif pour 56% à 79% des souches des espèces

CLASSIQUE EN %

	Mobilité	LACtose	ONPG	ADH	LDC	ODC	CITrate (Simmons)	H2S	URÉE (uréase)	PDA ou TDA	INDole	VP	GÉLatinase	MANnitol	SACcharose	RM	DNase
<i>Entérobactéries classique I</i>																	
<i>Escherichia coli</i>	95	95	95	17	90	65	1	1	1	0	98	0	0	98	50	99	0
<i>Shigella sauf sonnei</i>	0	0	2	5	0	1	0	0	0	0	50	0	0	93	0	100	0
<i>Shigella sonnei</i>	0	2	90	2	0	98	0	0	0	0	0	0	0	99	1	100	0
<i>Salmonella (majorité)</i>	95	1	2	70	98	97	95	95	1	0	1	0	0	100	1	100	2
<i>Salmonella typhi</i>	97	1	0	3	98	0	0	97	0	0	0	0	0	100	0	100	0
<i>Salmonella paratyphi A</i>	95	0	0	15	0	95	0	10	0	0	0	0	0	100	0	100	0
<i>Citrobacter freundii</i>	95	50	95	65	0	20	98	80	2	0	5	0	0	99	30	100	0
<i>Citrobacter diversus</i>	95	35	96	65	0	99	99	0	2	0	99	0	0	100	45	100	0
<i>Klebsiella pneumoniae</i>	0	98	99	0	98	0	98	0	95	0	0	98	0	99	99	10	0
<i>Klebsiella oxytoca</i>	0	100	100	0	99	0	95	0	90	1	99	95	0	99	100	20	0
<i>Enterobacter aerogenes</i>	97	95	100	0	98	98	95	0	2	0	0	98	0	100	100	5	0
<i>Enterobacter cloacae</i>	95	93	99	97	0	96	100	0	65	0	0	100	0	100	97	5	0
<i>Hafnia alvei</i>	85	5	90	6	100	98	10	0	4	0	0	85	0	99	10	40	0
<i>Serratia marcescens</i>	97	2	95	0	99	99	98	0	15	0	1	98	90	99	99	20	98
<i>Proteus mirabilis</i>	95	2	0	0	0	99	65	98	98	98	2	50	90	0	15	97	50
<i>Proteus vulgaris</i>	95	2	1	0	0	0	15	95	95	99	98	0	91	0	97	95	80
<i>Providencia rettgeri</i>	94	5	5	0	0	0	95	0	98	98	99	0	0	100	15	93	0
<i>Providencia stuartii</i>	85	2	10	0	0	0	93	0	30	95	98	0	0	10	50	100	10
<i>Providencia alcalifaciens</i>	96	0	1	0	0	1	98	0	0	98	99	0	0	2	15	99	0
<i>Morganella morganii</i>	95	1	5	0	0	98	0	8	98	95	98	0	0	0	0	97	0
<i>Yersinia enterocolitica</i>	2	5	95	0	0	95	0	0	75	0	50	2	0	98	95	97	5
<i>Yersinia pestis</i>	0	0	50	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	97	0	80	0
<i>Yersinia pseudotuberculosis</i>	0	0	70	0	0	0	0	0	95	0	0	0	0	100	0	100	0

	DULcitrol	ONPG (2 h)	Malonate	GÉLatinase 37°C (film) ?	Sorbitol	Culture en KCN	L(+)-tartrate	Galacturonate	GammaGlutamyltransférasé	béta-glucuronidase	Mucates	Salicine	Lactose	Lyse par phage O1
<i>Salmonella</i>														
<i>Salmonella enterica enterica</i>	95	0	0	0	95	0	95	0	90	50	95	0	0	99
<i>Salmonella enterica salamae</i>	95	0	95	95	95	0	0	95	95	50	95	0	0	99
<i>Salmonella enterica arizona</i>	0	95	95	95	95	0	0	0	0	0	95	0	25	0
<i>Salmonella enterica diarizona</i>	0	95	95	95	95	0	0	95	95	95	30	0	75	99
<i>Salmonella enterica houtenae</i>	0	0	0	95	95	95	0	95	95	0	0	95	0	0
<i>Salmonella enterica indica</i>	50	50	0	95	0	0	0	95	95	50	95	0	50	99
<i>Salmonella bongori</i>	95	95	0	0	95	95	0	95	95	0	95	0	0	50

	INDole	MANnitol	MALtose	DULcitol	RHAmnose	AR Abinose	XYLose	SORbitol
<i>Shigella dysenteriae 1</i>	0	0	5	0	0	0	0	0
<i>Shigella dysenteriae 2</i>	100	0	10	0	70	40	0	5
<i>Shigella dysenteriae 3</i>	0	0	5	0	0	70	0	5
<i>Shigella dysenteriae 4</i>	0	0	5	0	0	5	0	5
<i>Shigella dysenteriae 5</i>	0	0	0	0	0	100	0	80
<i>Shigella dysenteriae 6</i>	0	0	0	0	0	100	0	5
<i>Shigella dysenteriae 7</i>	100	0	90	90	90	100	0	0
<i>Shigella dysenteriae 8</i>	100	0	100	0	50	100	100	5
<i>Shigella dysenteriae 9</i>	0	0	90	0	0	100	100	0
<i>Shigella dysenteriae 10</i>	0	0	90	0	0	100	100	100
<i>Shigella flexneri 1</i>	30	100	5	0	5	5	0	0
<i>Shigella flexneri 2</i>	30	100	70	0	5	5	0	30
<i>Shigella flexneri 3</i>	70	100	70	0	70	70	0	90
<i>Shigella flexneri 4</i>	70	50	90	0	5	70	30	70
<i>Shigella flexneri 5</i>	70	100	5	0	5	70	0	30
<i>Shigella flexneri 6</i>	0	50	70	70	30	5	0	0
<i>Shigella boydii 1</i>	0	100	5	0	0	100	70	100
<i>Shigella boydii 2</i>	0	100	95	0	0	100	30	5
<i>Shigella boydii 3</i>	0	100	0	95	0	100	100	100
<i>Shigella boydii 4</i>	0	100	70	30	0	100	0	0
<i>Shigella boydii 5</i>	100	100	0	0	0	90	90	100
<i>Shigella boydii 6</i>	0	100	0	90	0	100	90	100
<i>Shigella boydii 7</i>	100	100	90	0	0	100	100	70
<i>Shigella boydii 8</i>	0	100	90	0	0	100	90	95
<i>Shigella boydii 9</i>	100	100	90	0	90	30	0	0
<i>Shigella boydii 10</i>	0	100	90	90	0	100	90	0
<i>Shigella boydii 11</i>	100	100	90	0	100	100	100	5
<i>Shigella boydii 12</i>	0	100	0	0	0	100	0	0
<i>Shigella boydii 13</i>	100	100	0	0	0	100	0	0
<i>Shigella boydii 14</i>	0	70	70	0	0	100	90	100
<i>Shigella boydii 15</i>	100	100	0	0	0	100	0	0
<i>Shigella sonnei</i>	0	100	100	0	100	100	30	0

Vibrionaceae et Aeromonadaceae

		ONPG	ADH	LDC	ODC	CITrate de Simmons	INDole	VP	GÉLatinase	MANNitol	Inositol	Saccharose	Sensibilité O129	Sensibilité à Polymyxine B	OXYdase	culture 0 g.dm ⁻³ NaCl	culture 10 g.dm ⁻³ NaCl	culture 60 g.dm ⁻³ NaCl	culture 80 g.dm ⁻³ NaCl
Vibrionaceae et Aeromonadaceae																			
<i>Aeromonas caviae</i>		99	99	0	0	50	99	0	99	99	0	99	0	?	100	100	100	0	
<i>Aeromonas hydrophila</i>		99	99	50	0	50	99	99	99	99	0	99	0	?	100	100	100	0	
<i>Aeromonas salmonicida</i>		60	99	50	0	0	70	10	99	90	0	90	0	?	100	100	100	0	
<i>Aeromonas schubertii</i>		99	99	99	0	50	0	0	99	0	0	0	0	?	100	100	100	0	
<i>Aeromonas sobria</i>		0	99	99	0	80	99	50	99	50	0	50	0	?	100	100	100	0	
<i>Aeromonas veronii</i>		80	99	99	99	99	0	99	0	0	99	0	0	?	100	100	100	0	
<i>Proteus (Plesiomonas)shigelloides</i>		99	99	99	99	0	99	0	0	0	99	0	95	?	100	100	100	0	
<i>Vibrio alginolyticus</i>		0	0	99	50	0	90	99	90	99	0	99	2	50	99	0	100	100	
<i>Vibrio cholerae</i>		99	0	99	99	95	99	50	90	99	0	99	99	2	99	99	100	50	
<i>Vibrio cincinnatiensis</i>		90	0	99	0	2	0	0	0	99	99	99	2	99	99	0	100	100	
<i>Vibrio (Listonella) damsela</i>		0	99	50	0	0	0	99	0	0	0	0	99	80	99	0	100	100	
<i>Vibrio fluvialis</i>		50	99	0	0	95	5	0	80	99	0	99	50	99	99	0	100	100	
<i>Vibrio furnissii</i>		50	99	0	0	95	5	0	80	99	0	99	0	80	99	0	100	100	
<i>Vibrio harveyi</i>		0	0	99	0	0	99	50	0	50	0	50	99	99	99	0	100	100	
<i>Vibrio hollisae</i>		0	0	0	0	0	99	0	0	0	0	0	50	99	99	0	100	80	
<i>Vibrio metschnikovii</i>		50	50	50	0	50	5	99	50	99	50	99	99	0	0	100	80	50	
<i>Vibrio mimicus</i>		95	0	95	99	95	99	0	50	99	0	0	99	80	99	99	100	50	
<i>Vibrio parahaemolyticus</i>		0	0	95	99	0	99	0	90	99	0	0	5	50	99	0	100	100	
<i>Vibrio vulnificus</i>		50	0	95	50	50	99	0	50	50	0	5	99	0	99	0	100	50	

biovars	Hémolyse (mouton)	Hémagglutination (poulet)	Sensibilité polymyxine B 50 µg	Sensibilité phage IV (classique)	Sensibilité phage V (eltor)
	VP				
<i>V. cholerae cholerae</i>	0	0	10	100	100
<i>V. cholerae eltor</i>	50	99	90	0	0

Vibrionaceae et Aeromonadaceae		Halophilie	OXYdase	Luminescence	ADH	LDC	ODC	VP	GÉLatinase	Mannitol	Sensibilité O129	GC%
genre <i>Aeromonas</i>		0	100	0	99	80	5	80	99	90	0	57-63
genre <i>Vibrio</i>		50	95	20	50	80	50	50	80	80	80	38-51
genre <i>Photobacterium</i>		100	50	80	99	99	0	80	0	99	99	40-44
<i>Proteus shigelloides (Plesiomonas)</i>		0	100	0	99	99	99	0	0	0	95	51

Pseudomonas et apparentés

Bordetella

<i>Bordetella</i>	début culture sur milieu de Bordet Gengou	Culture sur Mac Conkey	Mobilité	NO2-	Uréase	Oxydase	CATALase	CTTrate de Simmons
<i>Bordetella avium</i>	1-2 jours	99	100	0	0	50	50	99
<i>Bordetella bronchiseptica</i>	1-2 jours	99	100	100	99	100	100	99
<i>Bordetella parapertussis</i>	2-3 jours	99	0	0	99	0	100	50
<i>Bordetella pertussis</i>	3-6 jours	0	0	0	0	100	100	0

Brucella

<i>Brucella</i>	exigence en dioxyde de carbone	production d'H2S (en 2 à 4 jours)	résistance à la thiomine	résistance à la Fuchsine basique
<i>Brucella melitensis melitensis</i>	0	1	100	100
<i>Brucella melitensis abortus</i>	99	99	0	100
<i>Brucella melitensis suis</i>	0	99	100	0

Campylobacter

	CAT	culture à 15°C	culture à 25°C	culture à 42°C	Sensibilité acide nalidixique 30 µg	Sensibilité Céphalotine 30 µg	Nitrates en nitrites	Réduction nitrates	Hydrolyse de hippurate	croissance en NaCl 35 g.dm-3	H2S
<i>Helicobacter (Camp.) cinaedi</i>	100	0	0	99	99	0	99	0	0	0	0
<i>Campylobacter coli</i>	100	0	0	99	99	50	99	0	0	0	50
<i>Campylobacter concisus</i>	0	0	0	99	0	0	99	99	0	0	99
<i>Arcobacter (Camp.) cryaerophila</i>	100	99	99	50	50	50	99	?	0	0	0
<i>Helicobacter (Camp.) fennelliae</i>	100	0	0	0	99	99	0	0	0	0	0
<i>Campylobacter fetus fetus</i>	100	0	99	50	0	99	99	0	0	0	0
<i>Campylobacter fetus venerealis</i>	100	0	99	0	0	99	99	0	0	0	0
<i>Campylobacter hyoilealis</i>	100	0	99	99	0	99	99	0	0	0	50
<i>Campylobacter jejuni jejuni</i>	100	0	0	99	99	0	99	0	99	0	0
<i>Campylobacter jejuni doylei</i>	100	0	0	90	99	99	0	?	?	0	0
<i>Campylobacter lari</i>	100	0	0	99	0	0	99	0	0	0	0
<i>Campylobacter sputorum sputorum</i>	0	0	0	99	50	99	99	50	0	0	70
<i>Campylobacter sputorum buculus</i>	0	0	0	99	50	99	99	50	0	50	99
<i>Campylobacter sputorum fecalis</i>	100	0	0	99	0	99	99	50	0	99	99
<i>Helicobacter pylori</i>	0	0	0	0	50	99	0	50	50	0	0
<i>Helicobacter mustelae</i>	0	0	0	100	100	0	100	?	50	0	0
<i>Wolinella succinogenes</i>	0	?	99	99	99	99	99	0	0	0	99
<i>Wolinella curva</i>	0	0	99	0	99	99	99	0	0	0	99

Haemophilus

	Bes. NAD	Bes. hém	Bes. CO2	Hémolyse	ONPG	LDC	ODC	H2S	URÉe	Indole	OXYdase	CATalase	Rédu NO3	Rédu NO2	GLUcose	LACtose	XYLose	FRUcose	GALactose	MANnitol	INOsitol	SORbitol	RHAMnose	SACcharose	MELibiose	ARAbiose	
<i>Hemophilus aphrophilus</i>	100	0	99	0	99	0	1	0	1	0	99	1	99	99	99	99	99	99	99	0	50	0	0	0	99	0	
<i>Hemophilus ducreyi</i>	0	100	0	1	0	0	0	0	0	0	99	0	99	99	99	99	99	99	99	0	0	0	0	0	0	0	
<i>Hemophilus haemolyticus</i>	100	100	0	99	0	0	1	99	99	50	99	99	99	99	99	99	99	99	99	0	50	80	99	0	0	0	0
<i>Hemophilus influenzae</i> biovar <i>aegyptius</i>	100	100	0	0	0	0	1	0	99	0	99	99	99	99	99	99	99	99	99	0	0	99	99	0	0	0	0
<i>Hemophilus influenzae</i> biovar <i>I</i>	100	100	0	0	0	0	99	0	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	0	99	99	99	0	0	0	0
<i>Hemophilus influenzae</i> biovar <i>II</i>	100	100	0	0	0	0	1	0	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	0	50	99	99	0	0	0	0
<i>Hemophilus influenzae</i> biovar <i>III</i>	100	100	0	0	0	0	1	0	99	0	99	99	99	99	99	99	99	99	99	0	50	99	99	0	0	0	0
<i>Hemophilus influenzae</i> biovar <i>IV</i>	100	100	0	0	0	0	99	50	99	0	99	99	99	99	99	99	99	99	99	0	99	99	99	0	0	0	0
<i>Hemophilus influenzae</i> biovar <i>V</i>	100	100	0	0	0	0	99	0	1	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	0	99	99	99	0	0	0	0
<i>Hemophilus influenzae</i> biovar <i>VI</i>	100	100	0	0	0	0	99	0	1	0	99	99	99	99	99	99	99	99	99	0	99	99	99	0	0	0	0
<i>Hemophilus influenzae</i> biovar <i>VII</i>	100	100	0	0	0	0	1	0	1	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	0	99	99	99	0	0	0	0
<i>Hemophilus influenzae</i> biovar <i>VIII</i>	100	100	0	0	0	0	1	0	1	0	99	99	99	99	99	99	99	99	99	0	99	99	99	0	0	0	0
<i>Hemophilus parahaemolyticus</i>	100	0	0	99	50	0	50	99	99	0	99	50	99	99	99	99	99	99	99	0	0	99	99	0	0	99	0
<i>Hemophilus parainfluenzae</i> biovar <i>I</i>	100	0	0	0	99	0	99	99	1	0	99	50	99	99	99	99	99	99	99	0	0	99	99	0	0	99	0
<i>Hemophilus parainfluenzae</i> biovar <i>II</i>	100	0	0	50	50	0	99	99	99	0	99	50	99	99	99	99	99	99	99	0	0	99	99	0	0	99	0
<i>Hemophilus parainfluenzae</i> biovar <i>III</i>	100	0	0	50	50	0	0	99	99	0	99	99	99	99	99	99	99	99	99	0	0	99	99	0	0	99	0
<i>Hemophilus parainfluenzae</i> biovar <i>IV</i>	100	0	0	50	50	0	99	99	99	0	99	99	99	99	99	99	99	99	99	0	50	99	99	0	0	0	0
<i>Hemophilus parainfluenzae</i> biovar <i>V</i>	100	0	0	50	50	0	99	99	99	0	99	99	99	99	99	99	99	99	99	0	0	99	99	0	0	99	0
<i>Hemophilus parainfluenzae</i> biovar <i>VI</i>	100	0	0	50	50	0	0	99	99	0	99	99	99	99	99	99	99	99	99	0	0	99	99	0	0	99	0
<i>Hemophilus paraphrohaemolyticus</i>	100	0	100	50	50	0	1	99	99	0	99	99	99	99	99	99	99	99	99	0	0	99	50	0	0	0	99
<i>Hemophilus paraphrophilus</i>	0	100	99	0	99	0	1	99	1	0	99	1	99	99	99	99	99	99	99	0	99	99	99	0	0	0	99
<i>Hemophilus segnis</i>	100	0	0	95	50	0	1	0	1	0	1	0	1	50	99	99	99	99	0	0	60	60	0	0	0	99	0
<i>Actinobacillus actinomycetemcomitans</i>	0	0	99	1	99	99	0	1	0	1	0	99	99	99	99	99	99	99	99	0	50	99	99	80	0	5	0
<i>Eikenella corrodens</i>	0	0	0	1	99	99	0	1	0	1	0	99	1	99	99	99	99	99	99	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>Cardiobacterium hominis</i>	0	0	99	1	0	1	0	1	0	1	99	99	1	0	1	99	99	99	99	0	0	0	99	0	99	0	0

Coques Gram -

	COCCi	CATalase	OXYdase	HÉMolyse	GLUcose	MALtose	FRUctose	SACcharose	LACtose	ONPG	TRIBurine	DNAse	γGT	POLYOsides	NO3 réd.	NO2 réd.	pigments	URÉase	PDA	INDole	GÉLatinase	ESCuline	ADH	H ₂ S
<i>Acinetobacter baumanii</i>	90	99	0	0	95	0	0	0	0	0	0	0	99?	1?	0	2	0	0	0	1	0	0	0	
<i>Acinetobacter calcoaceticus</i>	90	99	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	80?	0?	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>Acinetobacter haemolyticus</i>	90	99	0	99	52	0	0	0	0	0	0	0	4?	2?	0	0	0	0	0	99	0	0	0	
<i>Acinetobacter johnsonii</i>	90	99	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0?	0?	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>Acinetobacter junii</i>	90	99	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0?	2?	0	3	0	0	0	0	0	0	0	
<i>Acinetobacter lwoffi</i>	90	99	0	0	6	0	0	0	1	0	0	0	0?	1?	0	3	0	0	0	0	0	0	0	
<i>Kingella denitrificans</i>	99	1	100	0	99	99	0	1	0	0	0	1	92?	99	99	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>Sutonella (Kingella) indologen</i>	99	1	100	0	99	99	0	99	0	0	0	0	0?	0	0	0	0	0	99	0	0	0	0	
<i>Kingella kingae</i>	99	1	100	99	99	99	0	1	0	0	0	0	0?	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>Moraxella atlantae</i>	50	99	100	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0?	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>Moraxella bovis</i>	50	1	100	90	0	0	0	0	0	99	0?	?	1	0	0	0	0	0	90	0	0	0	0	
<i>Moraxella catarrhalis</i>	99	99	100	0	0	0	1	1	0	99	99	0	0	99	99	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>Moraxella caviae</i>	99	99	100	50	0	0	0	0	0	99	99	0	0	99	80	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>Moraxella cuniculi</i>	99	99	100	0	0	0	0	0	0	99	99	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>Moraxella lacunata</i>	50	99	100	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9?	99	0	0	0	0	0	99	0	0	0	
<i>Moraxella nonliquefaciens</i>	50	99	100	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6?	99	0	0	1	0	0	1	0	0	0	
<i>Moraxella osloensis</i>	50	99	100	0	0	0	0	0	0	0	0	0	31?	35	0	0	5	0	0	1	0	0	0	
<i>Moraxella ovis</i>	99	99	100	90	0	0	0	0	0	99	99	0	0	80	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>Moraxella phenylpyruvica</i>	50	99	100	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2?	90	0	0	70	99	0	0	0	0	0	
<i>Morococcus cerebrosus</i>	99	99	99	90	99	99	99	99	0	0	0	99?	99	99	50	0	0	0	0	0	0	99	0	
<i>Neisseria canis</i>	99	99	100	10	0	0	0	0	0	0	0	0?	0	99	0	0	0	0	0	?	?	?	0	
<i>Neisseria cinerea</i>	99	99	100	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	99	50	0	0	0	?	?	?	?	0	
<i>Neisseria denitrificans</i>	99	99	100	0	99	1	99	99	0	0	0	0	0?	99	0	99	50	0	0	0	?	?	?	
<i>Neisseria elongata</i>	50	0	100	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0?	0	0	99	50	0	0	0	?	?	0	
<i>Neisseria flavescens</i>	99	99	100	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0?	99	0	99	99	0	0	0	?	?	0	
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	99	99	100	0	99	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	?	?	?	0	
<i>Neisseria lactamica</i>	99	99	100	10	99	99	1	1	99	99	0	0	0	99	99	0	0	0	?	?	?	?	0	
<i>Neisseria macacae</i>	99	99	100	50	99	99	99	99?	?	0	0	?	99	0	99	99	0	0	0	?	?	?	0	
<i>Neisseria meningitidis</i>	99	99	100	0	99	99	1	1	0	0	0	0	99	0	0	0	0	0	?	?	?	?	0	
<i>Neisseria mucosa</i>	99	99	100	0	99	99	99	99	0	0	0	0	50	99	99	99	50	0	0	0	?	?	?	
<i>Neisseria polysacchareae</i>	99	99	100	?	99	99	1	10	0	0	0	0	0	99	99	0	99	0	0	0	?	?	?	
<i>Neisseria sicca</i>	99	99	100	0	99	99	99	99	0	0	0	0	50	99	0	99	50	0	0	0	?	?	0	
<i>Neisseria subflava flava</i>	99	99	100	0	99	99	99	1	0	0	0	0	50	0	0	99	99	0	0	0	?	?	?	
<i>Neisseria subflava perflava</i>	99	99	100	0	99	99	99	99	0	0	0	0	50	99	0	99	99	0	0	0	?	?	?	
<i>Neisseria subflava subflava</i>	99	99	100	0	99	99	1	1	0	0	0	0	50	25	0	99	99	0	0	0	?	?	?	
<i>Oligella urealytica</i>	99	99	100	0	0	0	0	0	0	0	0	?	99?	99?	99	90	1	99	99	0	0	0	0	
<i>Oligella urethralis</i>	99	99	100	0	1	0	0	0	0	0	0	0?	99?	99?	0	99	1	0	99	0	0	0	0	

Pasteurella

	CATalase	OXYdase	culture sur Mac Conkey	hémolyse	ONPG	ADH	LDC	ODC	ClTrate (Simmons)	H2S	URÉase	TDA	INDole	VP	GÉlatinase	GLUcose	MANitol	INOSitol	SORbitol	RHAMnose	SACcharose	MELibiose	AMYgdaline	ARAbinose	
<i>Pasteurella gallinarum</i>	100	99	0	0	0	0	0	0	0	90	0	0	0	0	0	99	99	0	5	0	99	?	?	0	
<i>Pasteurella multocida gallicida</i>	100	99	50	0	0	0	0	0	0	99	0	0	0	0	0	99	99	0	99	2	99	?	?	50	
<i>Pasteurella multocida multocida</i>	100	99	50	0	0	0	0	0	0	99	0	0	0	0	0	99	99	0	0	0	2	99	?	?	0
<i>Pasteurella multocida septica</i>	100	99	50	0	0	0	0	50	0	99	0	0	90	0	0	99	90	0	99	2	99	2?	?	0	
<i>Pasteurella pneumotropica</i>	100	99	50	0	99	0	0	99	0	90	99	0	99	0	50	99	0	50	0	2	99	50?	2	2	
<i>Pasteurella haemolytica</i>	100	99	99	90	50	0	0	0	0?	0	0	0	0	2	99	99	50	99	50	99	2?	99	2?	99	
<i>Pasteurella aerogenes</i>	100	70	99	0	50	0	0	50	0	99	99	0	5	0	0	99	50	50	5	50	99	50?	90		
<i>Pasteurella canis</i>	100	99	0	0	0	0	0	99	0?	0	0	10	?	0	99	0	0	0	0	0	99	0?	0	0	
<i>Pasteurella anatis</i>	100	30	30	0	99?	?	?	0	0?	0	0	0?	?	?	99	99	0	0	0?	99	0?	0	0	0	
<i>Pasteurella stomatis</i>	100	99	0	0	99	0	0	0	0?	0	0	30?	0	0	99	0	0	0	0	0	99	0?	0	0	
<i>Pasteurella dagmatis</i>	100	99	0	0	0	0	0	0	0?	99	0	99?	0	99	0	0	0	0	0	0	99	0?	0	0	
<i>Actinobacillus actinomycetemcomitans</i>	100	99	50	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	99	90	0	2	0	0	0?	0	0	0	
<i>Actinobacillus equuli</i>	50	90	99	0	50	0	0	0	50	99	0	0	0	50	99	99	0	99	99	99	99?	99	99?	2	
<i>Actinobacillus lignieresii</i>	50	90	99	0	50	0	0	0	0	99	99	0	0	50	0	99	99	0	2	50	99	0?	2		
<i>Actinobacillus suis</i>	100	90	99	100	90	0	0	0	0	0	99	0	0	0	99	0	0	0	0	0	99	99	90		
<i>Actinobacillus (Past.) ureae</i>	50	90	50	0	0	0	0	0	0?	99	0	0	0	0	99	99	0	2	0	99	0?	0	0		

BACILLES GRAM AÉROBIES

Bacilles Gram + aérobies : tableau d'orientation général

	bacilles Gram + non sporulés (général)	formes	exigence	gram positif	Acido-alcoolrésistance	culture en aérobiose	culture en anaérobiose	mobilité	forme irrégulière du bacille	brnachements	catalase	oxydase
bacilles réguliers	<i>Brochothrix</i>	bacilles réguliers, souvent en longues chaînes, coccoïdes en culture âgée	5	100	0	100	100	0	0	0	100	0
	<i>Erysipelothrix</i>	bacilles réguliers donnant souvent de longues chaînes	5	100	0	100	100	0	0	0	0	0
	<i>Kurthia</i>	bacilles réguliers, souvent en longues chaînes, coccoïdes en culture âgée	5	100	0	100	0	99	0	0	100	0
	<i>Listeria</i>	bacilles réguliers	5	100	0	100	100	50	0	0	100	0
	<i>Nocardia</i>	bacilles pléomorphiques donnant des filaments avec des branchements (un vrai thalle) et des formes coccoïdes	1	80	80	100	0	0	1	100	100	0
	<i>Rhodococcus</i>	bacilles donnant des filaments avec des branchements (un vrai thalle) et des formes coccoïdes	0	100	10	100	0	0	1	100	100	0
bacilles irréguliers	<i>Arcanobacterium</i>	bacilles courts et irréguliers, formes coccoïdes	90	100	0	100	100	0	100	0	0	0
	<i>Brevibacterium</i>	bacilles irréguliers et coques en cycles. branchements possibles	5	100	0	100	0	0	100	0	100	20
	<i>Corynebacterium</i>	bacilles, formes en massue	5	100	0	99	90	0	100	0	100	0
	<i>Dermabacter hominus</i>	bacilles courts	5	100	0	99	100	0	100	0	100	0
	<i>Gardnerella vaginalis</i>	bacilles courts et irréguliers	100	50	0	100	100	0	100	0	0	0
	<i>Arachnia</i>	bacilles irréguliers et filaments .qq branchements	100	100	0	100	100	0	100	50	0	0
	<i>Actinomyces</i>	bacille corynemorphe, donnant des filaments branchés	99	99	0	100	100	0	100	99	50	0
	<i>Jonesia denitrificans</i>	bacilles minces et irréguliers (formes en Y, massues...)	0	100	0	100	100	100	100	99	100	0
	<i>Oerskovia</i>	bacilles pléomorphiques donnant des filaments et des branchements	0	99	0	100	100	99	100	99	100	0
	<i>Rothia</i>	bacilles irréguliers, formes branchées et coccoïdes	99	100	0	99	100	0	100	99	100	0

Bacillus et apparentés (Bacilles Gram + sporulés)

	formes régulières	branchements	CATalase	culture an aérobie	MOBilité	Réduction des nitrates	GÉLatinase	URÉase	ESCuLINE	HIPpurate	PYRAZinamidase	GLUcose	MANnitol	ARABinose	RHAMnose	LACtose	MALtose	SACcharose	SALicine
<i>Arcanobacterium</i>	1	0	0	100	0	99	0	0	0	90	100	0	0	0	99	99	50		
<i>Gardnerella vaginalis</i>	1	0	0	100	0	0	0	0	0	0	100	0	0	0	0	100	0		
<i>Corynebacterium bovis</i>	0	0	100	100	0	0	0	0	0	99	99	100	0	99	0	50	100	0	0
<i>Cor. diphtheriae</i>	0	0	100	100	0	85	0	0	0	0	100	0	99	99	0	0	99	0	99
<i>Cor. glutamicum</i>	0	0	100	100	0		0	99	0	99	?	100	0	99	0	0	99	99	0
<i>Corynebacterium jeikeium</i>	0	0	100	100	0	0	0	0	0	?	90	100	0	0	0	0	50	0	0
<i>Corynebacterium kutscheri</i>	0	0	100	100	0	80	0	99	0	99	99	100	0	0	0	0	99	99	99
<i>Cor. minutissimum</i>	0	0	100	100	0	0	0	0	0	99	99	100	0	?	?	0	99	99	?
<i>Corynebacterium pilosum</i>	0	0	100	100	0	100	0	99	0	99	99	100	0	0	0	0	99	0	0
<i>Cor. pseudodiphtheriticum</i>	0	0	100	1	0	100	0	99	0	99	99	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>Cor. pseudotuberculosis</i>	0	0	100	100	0	0	0	99	0	0	0	100	0	50	0	0	99	50	0
<i>Corynebacterium renale</i>	0	0	100	100	0	0	0	99	0	99	99	100	0	0	0	0	50	0	0
<i>Corynebacterium striatum</i>	0	0	100	100	0	90	0	0	0	99	?	100	0	0	0	0	50	99	0
<i>Corynebacterium xerosis</i>	0	0	100	100	0	100	0	0	0	99	99	100	0	0	0	0	0	99	99
<i>Dermabacter hominis</i>	1	0	100	100	0	0	99		99	0	99								
<i>Actinomyces pyogenes</i>	0	99	0	100	0	0	90	0	0	99	100	0			99	99	50		
<i>Arachnia</i>	0	100	0	100	0	99	0					99	50	0	50	50	99		
<i>Brevibacterium</i>	10	80	90	0	0	0	30	0	0	30	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>Josenia denitrificans</i>	0	80	100	100	99	99	0			1	100	0	0	0					99
<i>Oerskovia</i>	0	99	100	100	0	90	90	0	100		50	100	20			50	100	100	
<i>Rhodococcus equi</i>	0	99	100	100	0	90	0	10	10	?	10	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>Rothia</i>	0	99	100	100	0	99	0					99							
<i>Erysipelothrix</i>	100	0	0	100	0	0	0	0	25	0	50	99	0		99	0	0	0	
<i>Lactobacillus</i>	100	0	0	100	0														
<i>Kurthia</i>	100	0	100	0	99														
<i>Listeria</i>	100	0	100	100	0	30	0	0	99		0	100	50			50	100	25	99
<i>Brochothrix</i>	100	90	100	100	100														

Lactobacillus

Listeria - Erysipelothrix

caractères différentiels des genres	Mobilité à 25°C	Oxydase	Catalase	culture GO	ESCuLINE	INDole	UREase	Hémolyse	H2S (Kligler)	VP	RM	ferm. du glucose	transillumination
<i>Listeria</i>	+	-	+	+	+	-	-	+	-	+	+	+	+
<i>Erysipelothrix</i>	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	faible	-

Listeria														
	Hémolyse	Campt test Staph.	CAMP test Rhodococcus	DEXtrose ou GLUcose	GALactose	LACtose	MANnitol	L-RHAmnose	SORbitol	Amidon	SACcharose	D-XYLose	D-RIBose	alpha-méthy-D-mannoside
<i>Listeria monocytogenes</i>	+	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	+
<i>Listeria innocua</i>	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	+
<i>Listeria ivanovii subsp ivanovii</i>	+	-	+	-	-	-	+	-	-	-	-	-	-	-
<i>Listeria ivanovii subsp londoniensis</i>	+	-	+	-	-	-	+	-	-	-	-	-	-	-
<i>Listeria seeligeri</i>	+	+	-	-	-	-	+	-	-	-	-	-	-	V
<i>Listeria welshimeri</i>	-	-	-	-	-	-	+	V	-	-	-	-	-	-
<i>Listeria grayi</i>	-	-	-	+	-	-	-	-	-	-	-	-	-	+

Listeria classique																			
	Hémolyse	Campt test Staph.	CAMP test Rhodococcus	DEXtrose ou GLUcose	GALactose	LACtose	MANnitol	L-RHAmnose	SORbitol	Amidon	SACcharose	D-XYLose	D-RIBose	alpha-méthy-D-HIPpurate	LÉCITHINASE	Rédu. NITRATES	Patho souris	GC %	
<i>Listeria monocytogenes</i>	100	100	0	50	50	50	0	100	50	0	0	0	99	99	100	50	0	100	37-39
<i>Listeria innocua</i>	0	0	0	0	0	99	0	50	0	0	50	0	0	99	99	50	0	0	36-38
<i>Listeria ivanovii</i>	100	0	99	0	50	99	0	0	0	0	50	99	33	0	99	99	0	100	37-38
<i>Listeria grayi</i>	0	0	0	99	99	99	99	0	0	99	0	0	0	?	0	0	0	0	41-42
<i>Listeria murrayi</i>	0	0	0	99	99	99	99	50	0	99	0	0	0	?	0	0	99	0	41-43
<i>Listeria seeligeri</i>	90	0	10	?	?	?	0	0	?	?	?	99	99	0	?	?	0	0	?
<i>Listeria welshimeri</i>	0	0	0	?	?	?	0	50	?	?	?	99	0	99	?	?	0	0	?

Mycobactéries

À croissance lente

Mycobactéries à croissance lente	pigmentation à l'isolement	croissance en 3 à 4 jours	croissance en 5 à 9 jours	croissance en 5 à 9 jours	croissance en 10 à 30 jours	croissance en 10 à 30 jours	Croissance à 25°C	photochromogène	Réduction des nitrates	Uréase	Pyrazinamidase (en agar)	Phosphatase acide	ONPG	Catalase forte	R à isoniazide 1 µg.ml⁻¹	R à isoniazide 10 µg.ml⁻¹	R à TCHA 1µg.ml⁻¹
<i>Mycobacterium complexe avium</i>	-	-	-	-	+	V	V	-	-	-	+	-	?	V	+	-	V
<i>Mycobacterium complexe bovis</i>	-	-	-	+	-	-	-	-	+	-	-	-	-	-	-	-	+
<i>Mycobacterium complexe terrae</i>	-	-	-	+	+	-	-	V	-	V	V	+	+	+	+	+	V
<i>Mycobacterium cookii</i>	+	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	?	?	?	+	+	?
<i>Mycobacterium flavescentis</i>	+	-	+	+	+	V	-	+	+	?	-	?	+	-	-	-	+
<i>Mycobacterium gastri</i>	-	-	-	+	+	-	-	-	+	V	-	-	-	-	-	-	-
<i>Mycobacterium gordoneae</i>	+	-	-	+	+	-	-	-	-	-	V	-	-	+	V	-	-
<i>Mycobacterium kansasii</i>	-	-	-	+	+	-	+	+	+	+	V	+	-	+	V	V	-
<i>Mycobacterium malmoense</i>	-	-	-	+	V	-	-	-	V	V	-	-	-	+	-	-	-
<i>Mycobacterium marinum</i>	-	?	?	+	+	-	+	-	+	+	-	-	-	V	V	V	V
<i>Mycobacterium scrofulaceum</i>	+	-	-	+	+	-	-	V	+	+	V	-	+	+	+	V	-
<i>Mycobacterium simiae</i>	-	-	-	+	+	-	+	-	+	V	-	-	+	+	V	-	-
<i>Mycobacterium szulgai</i>	+	-	-	+	+	-	-	+	V	+	+	-	+	?	-	-	-
<i>Mycobacterium tuberculosis</i>	-	-	-	+	-	-	-	-	+	+	+	?	-	-	-	-	-
<i>Mycobacterium xenopi</i>	V	-	-	+	-	+	-	-	-	V	-	-	-	-	-	-	-

À croissance rapide

Mycobactéries à croissance rapide	pigmentation à l'isolement	croissance en 3 à 4 jours	croissance en 5 à 9 jours	croissance en 10 à 30 jours	croissance à 25°C	Croissance à 45°C	photochromogène	Phosphatase acide	Réduction des nitrates	croissance sur Mc Conkey sans cristal violet
<i>Mycobacterium aurum</i>	+	+	+	+	?	-	-	V	-	-
<i>Mycobacterium chelonae</i>	-	+	+	+	?	-	-	+	-	+
<i>Mycobacterium flavescentis</i>	+	-	+	+	+	V	-	-	+	-
<i>Mycobacterium phlei</i>	+	+	+	+	?	+	-	+	+	-
<i>Mycobacterium smegmatis</i>	-	+	+	+	?	+	-	-	+	-
<i>Mycobacterium vaccae</i>	+	+	+	+	?	-	+	-	+	-

COQUES GRAM + CATALASE +

(*Staphylococcaceae...*)

Distinguer *Micrococcaceae* et *Staphylococcaceae*

	Type respiratoire : culture en anaérobiose	Voie d'attaque du glucose : type fermentatif (0% : oxydatif ou interte)	Culture en présence de O129 et/ou de Bacitracine 40 µU/mL (résistance à)	Culture en présence de Lysostaphine à 200 ng/mL et/ou lysozyme 25 ng/mL
<i>Staphylococcus humains</i>				
<i>Staphylococcus aureus</i>	100	100	99	1
<i>Micrococcus et apparentés</i>	0	0	0	100

(pour O129 : R si diamètre inférieur à 15 mm)

Micrococcaceae

<i>Micrococcus</i>	couleur colonies	Culture à 37°C	MOBilité	GLU	Glycérol	MANnose	LACtose	ESculturine	CHÉlatinase	NO2	ADH	Oxydase	NaCl 75 g/L
<i>M. agilis (Arthrobacter)</i>	rouge	0	99	0	0	0	0	99	99	0	0	0	0
<i>M. halobius (1) (Nesterenkonia)</i>	sans	99	0	100	100	0	100	50	0	0	0	99	99
<i>M. luteus</i>	jaune	99	0	0	0	0	0	0	99	0	0	99	99
<i>M. lyliae</i>	blanc crème	99	0	0	0	0	0	0	99	0	5	99	99
<i>M. nishinomiyensis (Kytococcus)</i>	orange	99	0	50	0	0	0	0	99	50	5	99	0
<i>M. sedentarius (Dermacoccus)</i>	blanc crème ou jaune	99	0	0	0	0	0	0	99	0	99	0	99
<i>M. kristinae (2) (Kocuria)</i>	orange pale	99	0	100	100	100	0	99	0	0	0	99	99
<i>M. varians (Kocuria)</i>	jaune	99	0	100	0	0	0	0	99	99	0	0	99
<i>M. roseus (Kocuria)</i>	rose	99	99	100	0	0	0	0	0	99	0	0	9

(1) halophile (les tests doivent tous être faits dans un milieu à 50 g/L de NaCl)

(2) donné esc - en ID32Staph

Staphylococcaceae humaines

Simplifié

<i>Staphylococcus d'intérêt médical TABLEAU SIMPLIFIÉ</i>	Sensibilité à novobiocine	Coagulase libre	Protéine A	Récepteur au fibrinogène	DNase thermorésistante	MANitol	Pigmentation dorée des colonies
<i>Staphylococcus aureus</i>	99	95	95	95	95	95	60
<i>Staphylococcus epidermidis</i>	99	0	0	0	0	0	0
<i>Staphylococcus saprophyticus</i>	1	0	0	0	0	50	0

Complet

	Sensibilité à novobiocine	Coagulase libre	Récepteur au fibrinogène	DNase thermorésistante	Nitrate réductase	PAL	ODC	Uréase	β-Galactosidase	β-Glucosidase	PYRA	MaNhosE	MALTose	LACtose	TRÉhalose	MANitol	SACcharose	TURanose	XYLose
<i>Staphylococcus humains</i>																			
<i>Staphylococcus aureus</i>	99	99	99	99	99	99	0	99	0	99	50	99	99	99	99	99	99	50	0
<i>Staphylococcus auricularis</i>	99	0	0	0	40	0	0	0	50	0	50	0	90	0	90	0	50	30	0
<i>Staphylococcus capitis capitis</i>	99	0	0	0	50	0	0	0	0	0	0	99	0	0	0	90	30	0	0
<i>Staphylococcus capitis ureolyticus</i>	99	0	0	0	99	0	0	99	0	0	40	99	99	30	0	99	99	0	0
<i>Staphylococcus caprae</i>	99	0	0	0	99	99	0	99	0	0	50	99	50	99	99	50	0	0	0
<i>Staphylococcus epidermidis</i>	99	0	0	0	50	50	1	99	0	40	0	40	99	50	0	0	99	50	0
<i>Staphylococcus haemolyticus</i>	99	0	0	0	50	0	0	0	0	50	99	0	99	50	99	50	99	50	0
<i>Staphylococcus hominis</i>	99	0	0	0	50	50	0	99	0	0	0	50	99	50	50	0	99	99	0
<i>Staphylococcus intermedius</i>	99	99	50	99	99	99	0	99	99	50	50	99	10	99	99	30	99	50	0
<i>Staphylococcus lugdunensis</i>	99	0	99	10	99	0	99	50	0	99	0	99	99	50	99	0	99	0	0
<i>Staphylococcus schleiferi coagulans</i>	99	99	0	99	99	99	0	99	?	?	?	99	0	50	0	50	50	?	0
<i>Staphylococcus schleiferi schleiferi</i>	99	0	99	99	50	99	0	0	40	0	50	99	0	0	50	0	0	0	0
<i>Staphylococcus simulans</i>	99	0	0	0	99	10	0	99	99	0	99	50	10	99	50	99	99	0	0
<i>Staphylococcus warneri</i>	99	0	0	0	50	0	0	99	0	99	0	0	90	50	99	50	99	30	0
<i>Staphylococcus cohnii cohnii</i>	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	40	40	0	99	50	0	0	0
<i>Staphylococcus cohnii urealyticum</i>	1	0	0	0	0	90	0	99	99	5	50	99	50	50	99	99	0	0	0
<i>Staphylococcus saprophyticus</i>	1	0	0	0	0	0	0	99	99	50	50	0	99	50	99	50	99	99	0
<i>Staphylococcus xylosus</i>	1	0	0	0	99	50	0	99	99	99	50	99	99	50	99	99	50	99	0

<i>cg + ANA</i>	INDole	GLUcose	LACtose	MALTose	SACcharose	URÉase	Réduction Nitrates
<i>Peptococcus niger</i>	0	0	0	?	0	0	0
<i>Peptococcus saccharolyticus</i>	0	99	0	?	0	99	50
<i>Peptostreptococcus anaerobius</i>	0	50	0	30	50	0	50
<i>Peptostreptococcus asaccharolyticus</i>	99	0	0	0	0	0	0
<i>Peptostreptococcus indolicus</i>	99	0	0	0	0	0	99
<i>Peptostreptococcus magnus</i>	0	0	0	0	0	0	0
<i>Peptostreptococcus micros</i>	0	0	0	0	0	0	0
<i>Peptostreptococcus parvulus</i>	0	99	99	0	0	0	0
<i>Peptostreptococcus prevotii</i>	0	99	0	10	50	0	0
<i>Peptostreptococcus productus</i>	0	99	99	99	99	0	0
<i>Peptostreptococcus tetradius</i>	0	99	0	99	99	99	0

